

Animal : **Vanny de la Légende du Loup Noir**

N° d'identification :	<b>250 268 781 521 108</b>	Propriétaire :	<b>Laetitia et Guillaume WENTZEL BRISWALTER</b>
Race :	<b>Altdeutsche Schäferhunde</b>	N° de prélèvement :	<b>E00992551</b> (prélevé le 05/01/2026)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00131643</b>
Date de naissance :	<b>01/12/2024</b>	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	<b>Rodolphe WURTZ</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 15958)
Résultat établi le :	<b>29/01/2026</b>	Prélèvement authentifié	
		Document établi le :	<b>29/01/2026</b>

**MALADIES**

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Nanisme Hypophysaire	LHX3 7pb del intron 5	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Syndrome de Scott	TMEM16F g.8912219G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓

EXPLICATIONS
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défective du gène.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défective du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Animal : **Vanny de la Légende du Loup Noir**

N° d'identification :	<b>250 268 781 521 108</b>	Propriétaire :	<b>Laetitia et Guillaume WENTZEL BRISWALTER</b>
Race :	<b>Altdeutsche Schäferhunde</b>	N° de prélèvement :	<b>E00992551</b> (prélevé le 05/01/2026)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00131643</b>
Date de naissance :	<b>01/12/2024</b>	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	<b>Rodolphe WURTZ</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 15958)
Résultat établi le :	<b>29/01/2026</b>	Prélèvement authentifié	
		Document établi le :	<b>29/01/2026</b>

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

<b>CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES</b>	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> <b>d'expression</b>	<b>RÉSULTAT</b>
Locus A - Agouti			<b>Noir et feu porteur noir récessif (a<sup>t</sup>/a)</b>
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	<b>a<sup>w</sup>/a</b>
a <sup>t</sup>	ASIP SINE insertion	Autosomique récessif	<b>a<sup>t</sup>/a<sup>t</sup></b>
A <sup>w</sup>	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	<b>a<sup>w</sup>/a<sup>w</sup></b>
Locus B - Marron			<b>Non Porteur Marron (B/B)</b>
b <sup>a</sup>	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>c</sup>	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>d</sup>	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>e</sup>	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>s</sup>	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
Locus D - Dilution			<b>Non Porteur Dilution (D/D)</b>
d	MLPH c.-22G>A	Autosomique récessif	<b>D/D</b>
d <sup>2</sup>	MLPH c.705G>C	Autosomique récessif	<b>D/D</b>
d <sup>3</sup>	MLPH c.667_668insC	Autosomique récessif	<b>D/D</b>
Locus E - Extension			<b>Masque Sombre (E<sup>m</sup>/E<sup>m</sup>)</b>
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	<b>E/E</b>
e <sup>2</sup>	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	<b>E/E</b>
e <sup>3</sup>	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	<b>E/E</b>
E <sup>m</sup>	MC1R c.790A>G	Autosomique dominant	<b>E<sup>m</sup>/E<sup>m</sup></b>
Locus I - Intensité (i)	MFSD12 c.151C>T	Autosomique récessif	<b>Faible voire absence du fauve (i/i)</b>
Locus K - Noir Dominant (K <sup>o</sup> )	CBD103 c.231_233del	Autosomique dominant	<b>Non exprimé (k<sup>o</sup>/k<sup>o</sup>)</b>
Longueur du Pelage			<b>Homozygote poil long</b>
L1	FGF5 c.284G>T	Autosomique récessif	<b>pl/pl</b>
L2	FGF5 c.578C>T	Autosomique récessif	<b>PC/PC</b>
L3	FGF5 c.556_571del	Autosomique récessif	<b>PC/PC</b>
L4	FGF5 c.559_560dup	Autosomique récessif	<b>PC/PC</b>
Poil Bouclé ou Ondulé (c <sup>1</sup> )	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	<b>Non porteur (C/C)</b>

Animal : **Vanny de la Légende du Loup Noir**

N° d'identification :	<b>250 268 781 521 108</b>	Propriétaire :	<b>Laetitia et Guillaume WENTZEL BRISWALTER</b>
Race :	<b>Altdeutsche Schäferhunde</b>	N° de prélèvement :	<b>E00992551</b> (prélevé le 05/01/2026)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00131643</b>
Date de naissance :	<b>01/12/2024</b>	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	<b>Rodolphe WURTZ</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 15958)
Résultat établi le :	<b>29/01/2026</b>	Document établi le :	<b>Prélèvement authentifié</b> <b>29/01/2026</b>

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

**CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES**

	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> <b>d'expression</b>	<b>RÉSULTAT</b>
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	<b>Hétérozygote polydactyle</b>
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	<b>Chute de poils abondante</b>